

Сведения о научном руководителе

диссертации *Тащиловой Анны Сергеевны*

«Применение молекулярного моделирования для поиска ингибиторов фактора свертывания крови XIa»

Научный руководитель: Сулимов Владимир Борисович

Ученая степень: доктор физико-математических наук

Ученое звание: доцент

Должность: заведующий лабораторией, лаборатория вычислительных систем и прикладных технологий программирования

Место работы: Научно-исследовательский вычислительный центр Московского государственного университета имени М.В.Ломоносова

Адрес места работы: 119991, г.Москва, Ленинские горы, д. 1, стр.4

Тел.: +7(495) 939-36-53

E-mail: vladimir.sulimov@gmail.com

Список основных научных публикаций по специальностям 03.01.02 – Биофизика, 03.01.08 – Биоинженерия за последние 5 лет:

1. Sulimov A.V., Shikhaliev K.S., Pyankov O.V., Shcherbakov D.N., Chirkova V.Y., Ilin I.S., Kutov D.C., Tashchilova A.S., Krysin M.Y., Krylskiy D.V., Stolpovskaya N.V., Volosnikova E.A., Belenkaya S.V., Sulimov V.B. Development of antiviral drugs based on inhibitors of the SARS-COV-2 main protease // Biomeditsinskaya Khimiya, 2021, том 67, Issue 3, p. 259-267. DOI: 10.18097/PBMC20216703259
2. Sulimov V.B., Kutov D.C., Tashchilova A.S., Ilin I.S., Tyrtysnikov E.E., Sulimov A.V. Docking paradigm in Drug Design // Current Topics in Medicinal Chemistry, 2021, Vol. 21, Issue 6, p. 507-546. DOI : 10.2174/1568026620666201207095626
3. Sulimov A.V., Ilin I.S., Kutov D.C., Stolpovskaya N.V., Shikhaliev K.S., Sulimov V.B. Supercomputing, Docking and Quantum Mechanics in Quest for Inhibitors of Papain-like Protease of SARS-CoV-2 // Lobachevskii Journal of Mathematics // 2021, Vol. 47, Issue 7, p. 1571-1579. DOI: 10.1134/S1995080221070222

4. Development of docking programs for lomonosov supercomputer / V. B. Sulimov, I. S. Ilin, D. C. Kutov, A. V. Sulimov // Journal of the Turkish Chemical Society Section A: Chemistry. 2020, Vol. 7, Issue 1. p. 259–276.
5. Sulimov A.V., Kutov D.C., Tashilova A.S., Ilin I.S., Stolpovskaya N.V., Shikhaliev Kh.S., Sulimov V.B. In search of non-covalent inhibitors of SARS-CoV-2 main protease: Computer aided drug design using docking and quantum chemistry // Supercomputing Frontiers and Innovations, 2020, Vol. 7, Issue 3, p. 41-56. <https://doi.org/10.14529/jsfi200305>.
6. N. Novichikhina, I. Ilin, A. Tashchilova et al. Synthesis, docking, and in vitro anticoagulant activity assay of hybrid derivatives of pyrrolo[3,2,1-ij]quinolin-2(1h)-one as new inhibitors of factor xa and factor xia // Molecules, 2020. Vol. 25, Issue 8. p. 1889–1889. <https://doi.org/10.3390/molecules25081889>
7. Свертывание крови в XXI-м веке: новые знания, методы и перспективы для терапии / Н. А. Подоплелова, В. Б. Сулимов, А. С. Тащилова и др. // Вопросы гематологии/онкологии и иммунопатологии в педиатрии. — 2020, Т. 19, № 1, с. 139–157. <https://doi.org/10.24287/1726-1708-2020-19-1-139-157>
8. Sulimov V. B., Kutov D. C., Sulimov A. V. Advances in docking // Current Medicinal Chemistry, 2019, Vol. 26, Issue. 42. p. 7555–7580. DOI : 10.2174/0929867325666180904115000
9. Sulimov A.V., Kutov D., Ilin I., Zheltkov D., Tyrtysnikov E., Sulimov V.B. Supercomputer docking with a large number of degrees of freedom // SAR and QSAR in Environmental Research, 2019, Vol. 30, Issue 10, p. 733-749. DOI: 10.1080/1062936X.2019.1659412
10. A. V. Sulimov, D. A. Zheltkov, I. V. Oferkina et al. Evaluation of the novel algorithm of flexible ligand docking with moveable target protein atoms // Computational and Structural Biotechnology Journal, 2017, Vol. 15. p. 275–285. DOI: 10.1016/j.csbj.2017.02.004

Ученый секретарь диссертационного совета МГУ.01.04,

кандидат технических наук

А.Э. Сидорова